

Universitatea de Științe Agricole și Medicină Veterinară Cluj-Napoca**Facultatea de Horticultură****Master: Biodiversitate și Bioconservare**

Teme colocviu

Disciplina: Biologie Computațională

An universitar: 2011-2012

Nr.	Titlul temei	Nume, prenume
1	Perspectiva computațională a proceselor celulare	
2	Imagistica computațională și modelarea sistemelor biologice	Bernadette TELELY
3	Analiza omologiei hemoglobinei la plante și animale	Valeria Iulia MADA
4	Clasificarea hemoglobinei la plante	Dan GHIRAN
5	Evaluarea similității hemoglobinei simbiotice la diferite specii	Marius PAȘCA
6	Evaluarea similității hemoglobinei non-simbiotice la diferite specii	Ioan Ciprian CORDEA
7	Caracterizarea biochimică a lipidelor plantelor	Daniel Ioan GAVREA
8	Evaluarea tendințelor de publicare în biologia computațională	Silvia CHISELITA
9	Căutarea informației în baze de date: strategia de căutare	Eszter SOGOR
10	Vicia faba: cronologia secvențierii genomului (nuclear – plasmidic – mitocondial)	Traian-Sorin SCHIOP
11	Reprezentarea și prelucrarea secvențelor genetice	Tudor LUNGU
12	Clasificarea și caracterizarea bazelor de date cu informații genetice	Petru GAUREAN
13	Gestiunea informației genetice: Entrez	
14	Clasificarea și caracterizarea tipului de fișiere utilizat în biologia computațională	Liviu Constantin BOCA
15	Identificarea și caracterizarea pattern-urilor în structura genetică a concavalinei	
16	Clasificarea și caracterizarea metodelor utilizate în identificarea pattern-urilor	
17	Matrici de scor în alinierea secvențelor: clasificare și caracterizare	Sergiu TOMESCU
18	Clasificarea și caracterizarea programelor de aliniere a secvențelor genetice	Katalin SZABO (ALBUȘ)
19	Analiza similarității structurii genetice a pectinesterazei (pectinesterase-like protein): Brassica rapa (ABD91573) vs Arabidopsis thaliana (BAE98780)	
20	Utilizarea parametrilor de similaritate în compararea structurii genetice a chitinazei la următoarele specii: Allium sativum (AAA32641), Solanum lycopersicum (CAA78846) și Solanum tuberosum (AAA17409)	
21	Utilizarea programului CLC în identificarea pattern-urilor în structurile genetice	Lucian FATI